

CAGE™ Library Preparation Kit

CAGE™ – 次世代遺伝子発現プロファイリング

活用実績(一例)

- ・ 理研「FANTOMプロジェクト」
- ・ NIH「ENCODEプロジェクト」
- ・ 文部科学省「ゲノムネットワークプロジェクト」

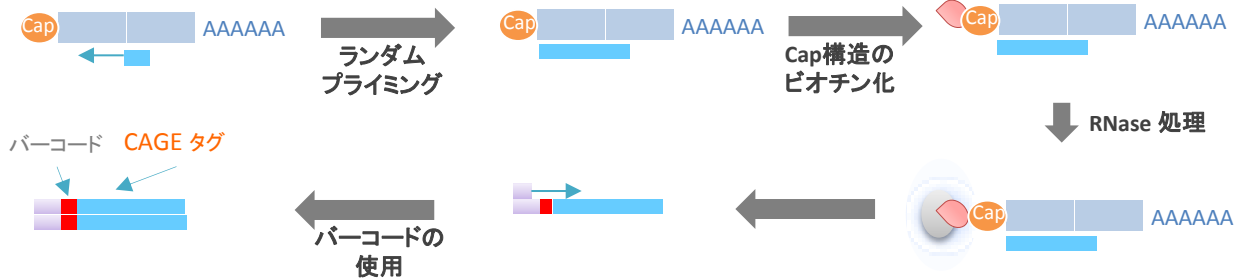
ILLUMINA社製次世代シーケンサーを用いた、網羅的転写開始点解析用キット

転写開始点ごとの遺伝子発現解析が可能

CAGE (Cap Analysis of Gene Expression) は独立行政法人理化学研究所で開発された解析手法です。

1

CAGE™ライブラリーの作製



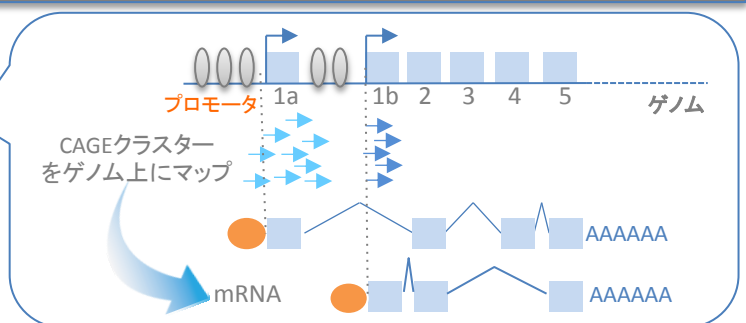
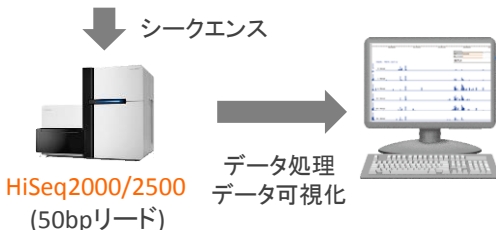
RNA pool		Capture	
Cap	AAAAAA	完全長mRNA	○
Cap		Non coding/Non-poly(A) mRNA	○
	AAAAAA	不完全なmRNA	×
		rRNA	×

- ILLUMINA シーケンスプラマー
- ビオチン
- ストレプトアビジン
- Cap 5'-末端 RNAのCAP構造

2

シーケンス、データの可視化、解析

CAGE™ライブラリー



特長

- Cap-Trapper法により5'capをキャプチャーと同時にrRNAを除去します。
- ランダムプライミングによりmRNAに加えてnon coding mRNAもカバーします。
- バーコードを使用することで、マルチプレックスシーケンス解析に対応できます。
- 作製したライブラリーはIllumina社製次世代シークエンサーで解析が可能です。
- 本キットには逆転写酵素が含まれておりません。
- データ解析には国立遺伝学研究所にて提供しておりますNGSデータ解析プラットフォームが利用可能です。
URL : <http://cell-innovation.nig.ac.jp/>

製品外観



価格

製品名称	Cat. No.	価格
CAGE™ Library preparation kit 8sample version	5201	¥400,000
CAGE™ Library preparation kit 48sample version	5202	¥2,200,000
CAGE™ Library preparation kit 96sample version	5203	¥3,500,000



株式会社ダナフォーム

〒230-0046
神奈川県横浜市鶴見区小野町75-1
リーディングベンチャープラザ2号館108号室
TEL: 045-510-0607 FAX: 045-510-0608
URL: <http://www.dnaform.jp/>
E-mail: order@dnaform.jp

Distributed by: